

Spis treści

Przedmowa	17
1. Wstęp.....	19
<i>Jerzy Silberring</i>	
2. Krótka historia spektrometrii mas.....	23
<i>Marek Smoluch, Jerzy Silberring</i>	
3. Podstawowe pojęcia	27
4. Aparatura	33
4.1. Metody jonizacji	33
4.1.1. Jonizacja elektronami.....	33
<i>Piotr Suder, Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	
4.1.1.1. Budowa źródła jonów typu EI.....	33
4.1.1.2. Wprowadzanie próbki	34
4.1.1.3. Derywatyzacja	35
4.1.1.4. Zasada formowania jonów w źródle typu EI.....	35
4.1.1.5. Fragmentacja w źródle jonów typu EI.....	36
4.1.1.6. Podstawy interpretacji widm EI	37
4.1.2. Jonizacja chemiczna.....	56
<i>Anna Bodzoń-Kułakowska, Piotr Suder</i>	
4.1.2.1. Zasada działania	56
4.1.2.2. Jony o ładunku ujemnym.....	59
4.1.2.3. Jonizacja elektronami a jonizacja chemiczna	60
4.1.3. Techniki jonizacji pod ciśnieniem atmosferycznym (API).....	61
4.1.3.1. Jonizacja chemiczna pod ciśnieniem atmosferycznym (APCI)	61
<i>Piotr Suder</i>	
4.1.3.2. Electrospray (ESI)	66
<i>Piotr Suder</i>	
4.1.3.3. Nanoelectrospray (nanoESI)	80
<i>Piotr Suder</i>	
4.1.3.4. Desorption electrospray ionization (DESI).....	83
<i>Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	
4.1.3.5. Laser ablation electrospray ionization (LAESI).....	88
<i>Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	

4.1.4.	Techniki oparte na jonizacji plazmą niskotemperaturową	90
	<i>Marek Smoluch</i>	
4.1.4.1.	<i>Direct Analysis in Real Time (DART)</i>	92
4.1.4.2.	<i>Flowing Atmospheric Pressure Afterglow (FAPA)</i>	95
4.1.4.3.	<i>Dielectric Barrier Discharge Ionization (DBDI)</i>	98
4.1.5.	Jonizacja/desorpcja laserowa wspomagana matrycą (MALDI).....	101
	<i>Przemysław Mielczarek, Agnieszka Kraj, Jerzy Silberring</i>	
4.1.5.1.	Rola matrycy	103
4.1.5.2.	Interpretacja widm uzyskanych za pomocą jonizacji MALDI ...	103
4.1.5.3.	Jonizacja/desorpcja na porowatym krzemie (DIOS).....	105
4.1.5.4.	Jonizacja/desorpcja z wykorzystaniem modyfikowanych powierzchni (SELDI)	106
4.1.5.5.	Jonizacja/desorpcja laserowa wspomagana nanostrukturami (NALDI).....	107
4.1.6.	Jonizacja plazmą wzbudzoną indukcyjnie (ICP-MS)	108
	<i>Małgorzata Iwona Szynkowska, Aleksandra Pawlaczyk</i>	
4.1.6.1.	Wprowadzenie.....	108
4.1.6.2.	Optyczna spektrometria emisyjna	110
4.1.6.3.	Plazma	110
4.1.6.4.	Mechanizm powstawania plazmy sprężonej indukcyjnie (ICP)	112
4.1.6.5.	Sposoby obserwacji plazmy	112
4.1.6.6.	Wprowadzanie próbki do plazmy	113
4.1.6.7.	Proces nebulizacji próbki	113
4.1.6.8.	Proces wzbudzania plazmą sprężoną indukcyjnie.....	114
4.1.6.9.	Pomiar metodą ICP-OES	115
4.1.6.10.	Pomiar metodą ICP-MS	116
4.1.6.11.	Interferencje	118
4.1.6.12.	Granica wykrywalności i precyzja metody	123
4.1.6.13.	Analizatory w spektrometrach ICP-MS	124
4.1.7.	Spektrometria mas jonów wtórnego z analizatorem czasu przelotu (TOF-SIMS)	126
	<i>Małgorzata Iwona Szynkowska, Jacek Rogowski</i>	
4.1.7.1.	Zasada działania metody TOF-SIMS	127
4.1.7.2.	Proces rozpylania powierzchni próbki (ang. <i>sputtering process</i>)	128
4.1.7.3.	Jonizacja (powstanie jonów wtórnego).....	129
4.1.7.4.	Budowa spektrometru TOF-SIMS.....	129
4.1.7.5.	Możliwości analiz TOF-SIMS.....	130
4.1.7.6.	Przykłady badań metodą TOF-SIMS, interpretacja wyników...	131
4.2.	Analizatory	142
4.2.1.	Analizator czasu przelotu (TOF)	142
	<i>Anna Bodzoń-Kułakowska, Anna Bierczyńska-Krzysik</i>	
4.2.1.1.	Zasada działania analizatora typu TOF	143
4.2.1.2.	Liniowy tryb pracy analizatora TOF	145

4.2.1.3. Rozrzut energii kinetycznej dla jonów o tej samej masie	146
4.2.1.4. Opóźniona ekstrakcja jonów	147
4.2.1.5. Tryb pracy z odbiciem	149
4.2.1.6. Analizator ortogonalny (ang. <i>orthogonal acceleration TOF analyzer</i>).....	150
4.2.1.7. Podsumowanie.....	151
4.2.2. Analizator ruchliwości jonów (IM).....	152
<i>Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	
4.2.2.1. Zasada działania analizatora IM	152
4.2.2.2. <i>Drift time IMS</i>	153
4.2.2.3. FAMIS (ang. <i>high-field assymmetric waveform ion mobility spectrometer</i>).....	153
4.2.2.4. TWIG (ang. <i>travelling wave ion guides</i>)	155
4.2.2.5. Widmo IM	156
4.2.2.6. Zastosowania	157
4.2.3. Analizator kwadrupolowy (Q)	157
<i>Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	
4.2.3.1. Budowa i zasada działania analizatora kwadrupolowego	157
4.2.3.2. Zachowanie się jonu wewnątrz kwadrupola.....	160
4.2.3.3. Zmiany U i V , czyli jak tworzy się widmo.....	162
4.2.3.4. Od czego zależą parametry widma?.....	162
4.2.3.5. Zastosowania analizatorów kwadrupolowych	163
4.2.3.6. Kwadrupole, heksapole i oktапole jako elementyogniskujące (ang. <i>ion guides</i>)	164
4.2.4. Pułapka jonowa (IT).....	165
<i>Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	
4.2.4.1. Budowa i zasada działania pułapki jonowej.....	165
4.2.4.2. Jak jony zachowują się w pułapce?	166
4.2.4.3. Analiza jonów.....	167
4.2.4.4. Tryb selektywnej destabilizacji jonów (ang. <i>mass selective instability mode</i>)	167
4.2.4.5. Tryb opróżniania pułapki przy częstotliwości rezonansowej (ang. <i>resonant ejection mode</i>)	169
4.2.4.6. Tryb selektywnej destabilizacji jonów z modulacją osiową (ang. <i>axial modulation</i>)	170
4.2.4.7. Tryb rezonansów nieliniowych (ang. <i>nonlinear resonances</i>)...	171
4.2.4.8. Liniowa pułapka jonowa	171
4.2.4.9. Zastosowania	172
4.2.5. Analizator cyklotronowy (ICR)	173
<i>Piotr Stefanowicz, Zbigniew Szewczuk</i>	
4.2.5.1. Częstotliwość cyklotronowa.....	174
4.2.5.2. Zasada działania spektrometrów mas ICR	175
4.2.5.3. Wprowadzanie jonów do komory	176
4.2.5.4. Płytki pułapkujące	176
4.2.5.5. Płytki wzbudzające	176

4.2.5.6. Płytki detekcyjne i transformacja Fouriera.....	177
4.2.5.7. Właściwości FT-ICR jako analizatora m/z	180
4.2.6. Analizator typu Orbitrap	182
<i>Piotr Stefanowicz, Zbigniew Szewczuk</i>	
4.2.6.1. Zasada działania, historia, podstawy fizyczne.....	182
4.2.6.2. Budowa i schemat Orbitrapu	182
4.2.6.3. Ruch ładunków w analizatorze mas	183
4.2.6.4. Właściwości Orbitrapu jako analizatora m/z	184
4.2.6.5. Zastosowania proteomiczne i analityczne Orbitrapu	185
4.2.7. Spektrometry mas z sektorem magnetycznym i elektrostatycznym (B i E).....	186
<i>Anna Bodzon-Kułakowska</i>	
4.2.7.1. Zasada działania analizatora magnetycznego (B)	187
4.2.7.2. Sektor elektrostatyczny (E)	189
4.2.7.3. Spektrometry mas z sektorami: elektrostatycznym i magnetycznym	191
4.3. Detektory jonów.....	192
<i>Piotr Suder</i>	
4.3.1. Powielacz elektronowy	193
4.3.2. Detektor mikrokanalikowy.....	193
4.3.3. Detektory typu Medipix/Timepix.....	194
4.3.4. Detekcja w analizatorach ICR i Orbitrap	196
5. Metody połączone.....	198
5.1. Chromatografia gazowa w połączeniu ze spektrometrią mas (GC-MS).....	198
<i>Anna Drabik, Agnieszka Kraj</i>	
5.1.1. Podstawy chromatografii gazowej	198
5.1.2. Modyfikacje chemiczne (derywatyzacja).....	202
5.1.3. Dwuwymiarowa chromatografia gazowa.....	205
5.2. Chromatografia cieczowa w połączeniu ze spektrometrią mas (LC-MS).....	207
5.2.1. Podstawy chromatografii cieczowej.....	207
5.2.2. Detekcja w chromatografii cieczowej	209
5.2.3. Rodzaje kolumn chromatograficznych.....	211
5.2.3.1. Chromatografia w układzie odwróconych faz (ang. <i>reversed phase</i> , RP).....	214
5.2.3.2. Chromatografia w normalnym układzie faz (ang. <i>normal phase</i> , NP).....	215
5.2.3.3. Chromatografia jonowymienna (ang. <i>strong cation exchange</i> SCX, <i>weak cation exchange</i> WCX, <i>weak anion exchange</i> WAX i <i>strong anion exchange</i> SAX)	216
5.2.3.4. Chromatografia par jonowych (ang. <i>ion pair chromatography</i> , IPC)	217
5.2.3.5. Chromatografia powinowactwa (ang. <i>affinity chromatography</i> , AC)	218
5.2.3.6. Sączenie molekularne (ang. <i>size exclusion chromatography</i> , SEC)	219

5.2.3.7.	Chromatografia chiralna (ang. <i>chiral chromatography</i>)	219
5.2.3.8.	Kolumny monolityczne (ang. <i>monolithic columns</i>)	220
5.2.3.9.	Chromatografia oddziaływań hydrofilowych (ang. <i>hydrophilic interaction liquid chromatography</i> , HILIC).....	220
5.2.3.10.	Ultrawysokosprawna chromatografia cieczowa (ang. <i>ultra high performance liquid chromatography</i> , UHPLC)	220
5.2.3.11.	Wielowymiarowa chromatografia cieczowa (ang. <i>multi-dimensional liquid chromatography</i> , <i>coupled-column chromatography</i>)	221
5.3.	Elektroforeza kapilarna w połączeniu ze spektrometrią mas (CE-MS)	222
	<i>Przemysław Mielczarek, Jerzy Silberring</i>	
5.3.1.	Podstawy teoretyczne	222
5.3.2.	Rodzaje technik elektroforetycznych	224
5.3.3.	Elektroforeza kapilarna połączona z jonizacją typu electrospray	225
5.3.3.1.	Połączenie z przepływem osłonowym (ang. <i>sheath flow interface</i>).....	225
5.3.3.2.	Połączenie bez przepływu cieczy osłonowej (ang. <i>sheathless interface</i>)	226
5.3.3.3.	Połączenie z kontaktem w cieczy (ang. <i>liquid junction interface</i>)	227
5.3.4.	Jonizacja laserowa wspomagana matrycą w połączeniu z elektroforezą kapilarną	228
5.3.4.1.	Off-line CE-MALDI-TOF	228
5.3.4.2.	Direct CE-MALDI-TOF	229
5.3.4.3.	Bezpośrednie połączenie CE-MALDI-TOF (ang. <i>on-line CE-MALDI-TOF</i>)	230
5.3.5.	Podsumowanie	230
6.	Metody obrazowania powierzchni	232
	<i>Anna Bodzoń-Kułakowska</i>	
6.1.	Techniki analityczne.....	234
6.1.1.	SIMS.....	234
6.1.2.	MALDI-IMS	234
6.1.3.	DESI	236
6.2.	Analiza skrawków tkanek za pomocą technik MSI	236
6.3.	Analiza pojedynczych komórek i hodowli komórkowych za pomocą technik MSI.....	238
6.4.	Przykłady analiz z użyciem technik MSI.....	239
6.5.	Lączenie różnych technik obrazowania	241
6.6.	Podsumowanie	242
7.	Tandemowa spektrometria mas	244
	<i>Piotr Suder, Marek Noga</i>	
7.1.	Zasada działania	244
7.2.	Strategie eksperymentów MS/MS	246
7.2.1.	Fragmentacja rozdzielona w przestrzeni	246

10. Przykłady zastosowań spektrometrii mas.....	291
10.1. Proteomika	291
<i>Anna Drabik, Tomasz Dyląg, Joanna Ner-Kluza</i>	
10.1.1. Strategia <i>top-down</i>	292
10.1.2. Strategia <i>bottom-up</i>	293
10.1.3. Strategia <i>shotgun</i>	293
10.1.4. Podstawy sekwencjonowania peptydów	293
10.1.5. Sekwencjonowanie <i>de novo</i>	295
10.1.6. Analiza ilościowa w proteomice	296
10.1.6.1. Odczynniki iTRAQ	297
10.1.6.2. ICAT	299
10.1.6.3. SILAC	301
10.1.6.4. SILAM	303
10.1.6.5. MCAT	303
10.1.6.6. Techniki <i>label-free</i>	304
10.2. Spektrometria mas jako narzędzie stosowane w kryminalistyce i w przeciwdziałaniu terroryzmowi	305
<i>Anna Drabik, Piotr Suder</i>	
10.3. Ochrona środowiska.....	312
<i>Piotr Suder</i>	
10.4. Metabolomika	317
<i>Grzegorz Schroeder, Piotr Młynarz, Michał Ciborowski</i>	
10.4.1. Biomarkery chorób.....	318
10.4.2. Metabolom mikroorganizmów	322
10.4.3. Żywnościomika	323
10.5. Badania kosmosu	325
<i>Anna Drabik, Piotr Suder</i>	
10.5.1. Badania eksploracyjne.....	325
10.5.2. Monitoring warunków życia.....	327
10.6. Datowanie izotopowe.....	328
<i>Anna Drabik, Piotr Suder</i>	
10.7. Miniaturyzacja w spektrometrii mas.....	330
<i>Marek Smoluch</i>	
11. Internetowe bazy danych.....	334
11.1. Literaturowe bazy danych.....	334
11.2. Czasopisma naukowe.....	335
11.3. Bioinformatyczne bazy danych.....	336
11.3.1. Białkowe bazy danych.....	336
11.3.2. Bazy struktur i funkcji białek	337
11.3.3. Inne bazy danych	337
11.3.4. Narzędzia bioinformatyczne.....	337
12. Dodatki.....	339
12.1. Jednostki ciśnienia	339
12.2. Najczęściej występujące fragmenty w jonizacji elektronami (EI).....	339
12.3. Produkty autolizy trypsyny	343

12.4. Enzymy stosowane w analizie białek	344
12.5. Masy cząsteczkowe i struktury reszt aminokwasowych występujących w białkach	345
12.6. Masy cząsteczkowe i struktury reszt aminokwasów niebiałkowych.....	347
12.7. Masy wybranych monosacharydów i ich pochodnych	349
12.8. Analiza próbki zanieczyszczonej keratynami	350
Wykaz skrótów	353
Indeks rzeczowy	357